

FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome

LUCA FONTANESI

Indirizzo sede lavorativa

DIPARTIMENTO DI SCIENZE E TECNOLOGIE AGRO-ALIMENTARI, UNIVERSITÀ DI BOLOGNA, PLESSO DI AGRARIA - VIALE GIUSEPPE FANIN 46, 40127 BOLOGNA

Telefono

Ufficio +39 0512096535

Fax

E-mail

luca.fontanesi@unibo.it

ORCID

<https://orcid.org/0000-0001-7050-760>

Nazionalità



ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da - a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego
- Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da - a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego
- Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da - a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di impiego
- Tipo di azienda o settore
- Principali mansioni e responsabilità

- Date (da - a)
- Tipo di impiego
- Nome e indirizzo del datore di lavoro

2017 - presente

Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agro-Alimentari, Università degli Studi di Bologna – Alma Mater Studiorum – Via Zamboni 33, 40126 Bologna

Professore Ordinario

Zootecnica generale e Miglioramento genetico (settore AGR/17)

Insegnamento e ricerca

2011 - 2017

Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agro-Alimentari, Università degli Studi di Bologna – Alma Mater Studiorum – Via Zamboni 33, 40126 Bologna

Professore Associato

Zootecnica generale e Miglioramento genetico (settore AGR/17)

Insegnamento e ricerca

2006 – 2011

Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agro-Alimentari, Università degli Studi di Bologna – Alma Mater Studiorum – Via Zamboni 33, 40126 Bologna

Ricercatore

Zootecnica Speciale (settore AGR/19)

Ricerca

giugno – luglio 2008

Professore ad invito

Faculté des Sciences et Techniques - Université de Limoges, Limoges, Francia

• Principali mansioni e responsabilità	Insegnamento
• Date (da - a)	1999 – 2006
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Produzione e Valorizzazione Agro-alimentari, Università degli Studi di Bologna – Alma Mater Studiorum – Via Zamboni 33, 40126 Bologna
• Tipo di impiego	Collaboratore tecnico scientifico
• Principali mansioni e responsabilità	Ricerca

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

• Date (da – a)	2013
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Università degli Studi di Bologna – Alma Mater Studiorum – Via Zamboni 33, 40126 Bologna
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Idoneità per Professore Ordinario settore AGR17
• Date (da – a)	1993 - 1996
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Sede Amministrativa: Università degli Studi di Milano; Sede consociata, Università degli Studi di Bologna.
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Dottorato di ricerca in Scienze Zootecniche, curriculum Genetica Animale. (IX ciclo). Titolo della Tesi: "Isolamento e caratterizzazione di geni di proteine muscolari per l'identificazione di marcatori nel genoma suino."
• Qualifica conseguita	Dottore di ricerca in Scienze Zootecniche
• Date (da – a)	1994 – 1995
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	University of Minnesota, Department of Veterinary PathoBiology, Swine Genome Mapping Laboratory
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Periodo di studio e ricerca
• Date (da – a)	1992
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Università degli Studi di Bologna – Alma Mater Studiorum – Via Zamboni 33, 40126 Bologna
• Qualifica conseguita	Superamento dell'Esame di Stato per l'esercizio della libera professione di Agronomo
• Date (da – a)	1991
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Università degli Studi di Bologna – Alma Mater Studiorum – Via Zamboni 33, 40126 Bologna
• Qualifica conseguita	Dottore in Scienze Agrarie, Indirizzo Tecnico-Economico, punteggio 110/110 e lode Titolo della Tesi sperimentale in Genetica dei Microrganismi: "Microflora gastrica: composizione e caratterizzazione"

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

MADRELINGUA

ITALIANO

ALTRE LINGUE

INGLESE

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

Eccellente

Eccellente

Eccellente

CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI

Partecipa all'organizzazione e alla coordinazione di convegni nazionali e internazionali; collabora con ricercatori provenienti da altre università italiane ed estere nell'ambito di progetti internazionali tra cui Erasmus Mundus e COST-Action o Short Term Scientific Missions.

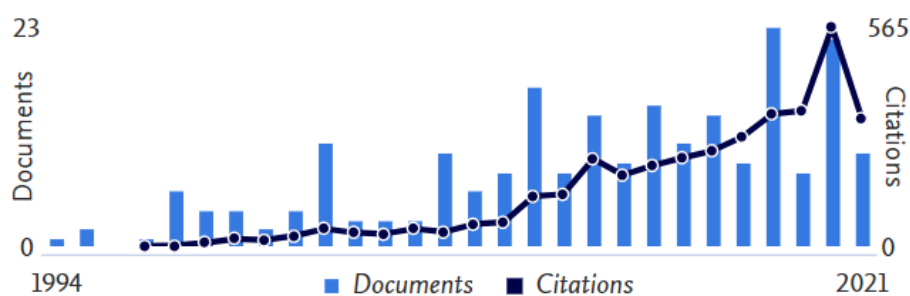
CAPACITÀ E COMPETENZE ORGANIZZATIVE

Dal 1992 partecipa a ricerche che affrontano tematiche riguardanti l'identificazione e il mappaggio di geni nelle specie di interesse zootecnico e l'applicazione della genetica molecolare per il miglioramento e la tracciabilità dei prodotti animali. In particolare, 35 sono stati i progetti di ricerca in cui ha svolto o tuttora svolge attività di ricerca. Fra questi, 6 sono i progetti di ricerca finanziati a livello europeo.

L'attività scientifica è documentata da più di 220 pubblicazioni su riviste internazionali referizzate (Scopus h index = 31, 228 documents, 3606 citazioni; google scholar h index = 36).

Da Scopus

Document & citation trends



È stato coordinatore del progetto strategico FAGenomicH (Farm Animal Genomics for Humans) finanziato dall'Università di Bologna (2007-2010) (<http://fagenomic.biocomp.unibo.it/>). È stato responsabile di una subunità di ricerca nell'ambito del progetto Selmol finanziato dal MiPAAF (2007-2010) e di una unità di ricerca nell'ambito del PRIN 2007 (2008-2010).

È stato coordinatore del progetto strategico FAGenomicH (Farm Animal Genomics for Humans) finanziato dall'Università di Bologna (2007-2010) (<http://fagenomic.biocomp.unibo.it/>). È stato responsabile di una subunità di ricerca nell'ambito del progetto Selmol finanziato dal MiPAAF (2007-2010) e di una unità di ricerca nell'ambito del PRIN 2007 (2008-2010).

I progetti e i network internazionali di ricerca in cui è stato recentemente coinvolto sono i seguenti: **1)** Progetto MiPAAF Innovagen - Utilizzazione della genomica per il miglioramento della selezione nei suini pesanti italiani: subunità carne suina (2011-2015) - Responsabile

dell'Unità di Ricerca UNIBO. **2)** Progetto MiPAAF Innovagen - Tracciabilità delle produzioni animali (2011-2015) - Responsabile dell'Unità di Ricerca UNIBO associata alla linea coordinata dal ConsDABI. **3)** Progetto AGER - Fondazioni Casse di Risparmio - Advanced research in genomics and processing technologies for the Italian heavy pig production chain (Hepiget) (2011-2015) - Membro del Gruppo di Ricerca. **4)** Progetto MIUR PON "Applicazione di biotecnologie molecolari e microrganismi protecnologici per la caratterizzazione e valorizzazione delle filiere lattiero-casearia e prodotti da forno di produzioni tipiche" (2011-2014) - Responsabile dell'Unità di Ricerca UNIBO. **5)** Chair della COST Action TD1101 "A Collaborative European Network on Rabbit Genome Biology (RGB-Net)" (2011-2015) - <http://www.biocomp.unibo.it/rabbit/>. **6)** SANCO/2014/G3/026 tender: "Pig castration: methods of anaesthesia and analgesia for all pigs and other alternatives for pigs used in traditional products": "CASTRUM – Pig Castration for Traditional and Conventional Products: a Report on Methods and their Impacts on Animal Welfare, Meat Quality and Sustainability of European Pork Production Systems" (2016), coordinatore. **7)** Progetto di ricerca europeo H2020 - TREASURE " Diversity of local pig breeds and production systems for high quality traditional products and sustainable pork chains" (2015-2019) <http://treasure.kis.si/> - Vice coordinatore del progetto e WP1 leader. **8)** Progetto H2020 Marie Skłodowska-Curie "Applied phenomics to identify biomarkers in pigs for new concepts in precision livestock farming - MARKTHEPIG" (2016-2018) - supervisor. **9)** Lagomorph Genomics Consortium (LaGomiCs) - Membro dello Steering Committee e fondatore. **10)** Componente del WG1 della COST Action PiGutNet, FA1401 (2014-2018). **11)** Componente del Management Committee (MC) della COST Action "Functional Annotation of Animal Genomes - European Network (FAANG-Europe) - CA15112" (2016-2020) http://www.cost.eu/COST_Actions/ca/CA15112. **12)** Componente del Management Committee (MC) della COST Action "Innovative approaches in pork production with entire males - CA15215" (2016-2020) http://www.cost.eu/COST_Actions/ca/CA15215. **13)** DUAL BREEDING - Le razze bovine a duplice attitudine: un modello alternativo di Zootecnia eco-sostenibile. Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale, sottomisura 10.2 del PSRN (2018-2020). Responsabile dell'Unità di Ricerca. **14)** SUIS – Suinicoltura Italiana Sostenibile. Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale, sottomisura 10.2 del PSRN (2018-2020). Responsabile dell'Unità di Ricerca. **15)** CUN-FU – La cunicoltura del futuro: benessere e sostenibilità degli allevamenti cunicoli italiani. Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale, sottomisura 10.2 del PSRN (2018-2020). Responsabile dell'Unità di Ricerca. **16)** BEE-RER "L'analisi del DNA ambientale del miele e di contaminanti per la valorizzazione e la difesa delle produzioni apistiche e per il monitoraggio degli aggressori dell'alveare in Emilia-Romagna" finanziato dalla Regione Emilia-Romagna (2019-2020) <https://site.unibo.it/bee-rer/it>. **17)** VirAnimalOne - Application of animal genomics and data mining to predict and monitor novel coronavirus potential infections (2020-2021) – European Open Science Cloud (EOSC). **18)** LIVESTOCK-STOP-COVI: Applicazioni di genomica ambientale e analitica avanzata per una strategia "One Health" di contrasto alla diffusione del contagio da coronavirus mediante monitoraggio negli allevamenti e sugli animali di interesse zootecnico - CIRI Agroalimentare - Regione Emilia-Romagna.

Attualmente è coinvolto nei seguenti progetti:

1) PigPhenomics - Applied phenomics and genomics in pigs for the identification and use of new phenotypes in breeding plans. PRIN2017 - MIUR, Ministero dell'Istruzione, della Università e della Ricerca (2019-2022). Coordinatore Nazionale e Responsabile dell'Unità di Ricerca. **2)** AnGen1H - Animal genomics for a "One Health" perspectives in the COVID-19 pandemic era - The EGI call for COVID-19 research projects (2020-2021), Coordinatore. **3)** Holothuria - Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali (2021-2022) – Responsabile dell'Unità di Ricerca. **4)** BEE-RER-2 - L'analisi del DNA ambientale del miele e delle api e approcci per la valorizzazione e la difesa delle produzioni apistiche e per il monitoraggio degli aggressori dell'alveare in Emilia-Romagna - Regione Emilia-Romagna (2021) - Coordinatore. **5)** SUIS.2 - Suinicoltura Italiana Sostenibile - Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale, sottomisura 10.2 del PSRN (2021-2023). Responsabile dell'Unità di Ricerca. **6)** DUAL BREEDING-Fase2 – I bovini a duplice attitudine: come produrre nel rispetto dell'ambiente e degli animali - Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale, sottomisura 10.2 del PSRN (2021-2023). Responsabile dell'Unità di Ricerca. **7)** CUN-FU-2 – La cunicoltura del futuro: focus su biodiversità, benessere e

sostenibilità - Fondo Europeo Agricolo per lo Sviluppo Rurale, sottomisura 10.2 del PSRN (2021-2023). Responsabile dell'Unità di Ricerca.

È stato membro del comitato "Domestic Animal Epigenetics" dell'ISAG (<http://www.isag.us/committees.asp>) (2014-2016 – 2019-2021).

ATTIVITÀ EXTRA-ISTITUZIONALI

Dal 2013 è componente "Esperto in zootecnia" della Commissione Tecnica Centrale del Libro Genealogico e del Registro Anagrafico della Specie Cunicola, nominato dal Ministero delle Politiche Agricole Alimentari e Forestali.

Dal 2021 è componente "Esperto in zootecnia" della Commissione Tecnica Centrale del Libro Genealogico della Specie Suina, nominato dal Ministero delle Politiche Agricole Alimentari e Forestali.

Dal 2021 è componente "Esperto in zootecnia" della Commissione Tecnica Centrale del Libro Genealogico della Razza Bovina Reggiana, nominato dal Ministero delle Politiche Agricole Alimentari e Forestali.

È Presidente della Giunta d'Appello di INEQ (ora IFCQ) <http://ineqweb.it/> (componente dal 2014 e presidente dal 2015).

Dal 2021 è componente del Comitato Nazionale Zootecnico come rappresentante del Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali

Componente del Gruppo di Esperti Valutatori dell'Agenzia Nazionale di Valutazione del Sistema Universitario e della Ricerca per il GEV-7 Scienze agrarie e veterinarie per VQR 2015-2019

È stato componente del Tavolo Ricerca per la stesura della Carta di Milano di EXPO 2015

ATTIVITÀ DIDATTICA

Titolare dei seguenti insegnamenti:

1) Zootecnia Biologica, anno accademico 2006/2007; Laurea Magistrale in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali (Facoltà di Agraria, Università di Bologna). (3 CFU).

2) Macellazione e Valutazione della Carne, anni accademici 2007/2008, 2008/2009; Laurea Triennale in Scienze e Tecnologie delle Produzioni Animali (Facoltà di Agraria, Università di Bologna). (6 CFU).

3) Tracciabilità in Produzione Animale (componente del corso integrato di Biotecnologie Applicate alle Produzioni Animali), anni accademici 2009/2010, 2010/2011; Laurea Magistrale in Sicurezza e qualità delle Produzioni Animali (Facoltà di Medicina Veterinaria, Università di Bologna) (3 CFU)

4) Macellazione e Qualità della Carne (componente del corso integrato di Tecnologie della Produzione di Carne e Derivati), anni accademici 2009/2010, 2010/2011; Laurea Magistrale in Sicurezza e qualità delle Produzioni Animali (Facoltà di Medicina Veterinaria, Università di Bologna) (3 CFU)

5) Allevamento degli Animali di Interesse Faunistico e Venatorio (componente del corso integrato di Gestione delle Risorse Faunistiche), anni accademici 2010/2011, 2011/2012, 2012/2013; Laurea Triennale in Produzioni Animali e Controllo della Fauna Selvatica (Facoltà di Agraria, Università di Bologna; dall'anno accademico 2012/2013 della Scuola di Agraria e Veterinaria) (4 CFU)

6) Biotecnologie delle Produzioni Animali, anni accademici 2010/2011, 2011/2012, 2012/2013, 2013/2014, 2014/2015, 2015/2016, 2016/2017, 2017/2018, 2018/2019 - Laurea Triennale in Biotecnologie (Facoltà di Scienze Matematiche Fisiche e Naturali, corso di Laurea interfacoltà, Università di Bologna; dall'anno accademico 2012/2013 della Scuola di Farmacia, Biotecnologie e Scienze motorie) (6 CFU)

7) Molecular Mechanisms of Gene Expression (componente del corso integrato Expression Systems and Databases) anno accademico 2010/2011, Laurea Magistrale Internazionale in Bioinformatics (Facoltà di Scienze Matematiche Fisiche e Naturali, Università di Bologna) (3 CFU).

8) Allevamento dei Suini e degli Equidi, anni accademici 2011/2012, 2012/2013, 2013/2014, 2014/2015, 2015/2016, 2016/2017, 2017/2018, 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021 - Laurea Triennale in Produzioni Animali e Controllo della Fauna Selvatica (Università di Bologna) (6 CFU o 4 + 2 CFU).

9) Applicazioni di Genomica Avanzata nelle Produzioni Animali, modulo di Genomica Animale Applicata, anni accademici 2013/2014, 2014/2015, 2015/2016, 2016/2017, 2017/2018, 2018/2019, 2019/2020 - Laurea Magistrale in Biotecnologie Animali (Università di Bologna) (3 CFU).

10) Applied Genomics, anni accademici 2013/2014, 2014/2015, 2015/2016, 2016/2017, 2017/2018, 2018/2019, 2019/2020, 2020/2021 - Laurea Magistrale Internazionale in Bioinformatics (Università di Bologna) (6 CFU).

11) Modulo 2 "Genomica e tracciabilità genetica per le produzioni animali" nel corso integrato di GENOMICA, NUTRIGENOMICA E TRACCIABILITÀ GENETICA PER LE PRODUZIONI ANIMALI, anni accademici 2014/2015, 2016/2017, 2017/2018, 2018/2019, 2020/2021 - Corso di Laurea Magistrale in Sicurezza e qualità delle produzioni animali (Università di Bologna)

12) Livestock Genomics, anni accademici 2019/2020 e 2020/2021 - Corso di Laurea Triennale Internazionale in Genomics (Università di Bologna)

13) Lezioni e seminari alla Scuola di Dottorato in Scienze Agrarie, anni accademici 2007/2008, 2008/2009, 2009/2010, 2010/2011, 2014/2015, 2015/2016, 2016/2017, 2017/2018, 2018/2019, 2020/2021: Elementi di Bioinformatica e Banche Dati di Interesse Biologico nell'ambito del corso su Metodi di identificazione di QTL per i caratteri importanti nei vegetali e negli animali; Metodi di tracciabilità e identificazione basati sul DNA, Genomica Animale.

Dal 1994 svolge attività didattica nell'ambito del settore della genetica molecolare applicata alle produzioni animali in diversi corsi di formazione e specializzazione e workshop organizzati da: IFOA, Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Lombardia e dell'Emilia-Romagna, Associazione Scientifica di Produzione Animale (ASPA), Università di Messina, Università di Palermo, Università di Padova, Università di Pisa e altri enti.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

Computer: Pacchetto Office, Pacchetto statistico SAS

Utzeri V.J., Bertolini F., Ribani A., Schiavo G., Dall'Olio S., Fontanesi L. (2016) The albinism of the feral Asinara white donkeys (*Equus asinus*) is determined by a missense mutation in a highly conserved position of the tyrosinase (TYR) gene deduced protein. *Animal Genetics*, 47, 120-124. doi: 10.1111/age.12386.

Bertolini F., Geraci C., Schiavo G., Sardina M.T., Chiofalo V., Fontanesi L. (2016) Whole genome semiconductor based sequencing of farmed European sea bass (*Dicentrarchus labrax*) Mediterranean genetic stocks using a DNA pooling approach. *Marine Genomics* 28, 63-70. doi: 10.1016/j.margen.2016.03.007.

Mastrangelo S., Tolone M., Di Gerlando R., Fontanesi L., Sardina M.T., Portolano B. (2016) Genomic inbreeding estimation in small populations: evaluation of runs of homozygosity in three local dairy cattle breeds. *Animal* 10, 746-754. doi: 10.1017/S1751731115002943. PubMed PMID: 27076405.

Schiavo G., Galimberti G., Calò D.G., Samoré A., Bertolini F., Russo V., Gallo M., Buttazzoni L., Fontanesi L. (2016) Twenty years of artificial directional selection have shaped the genome of the Italian Large White pig breed. *Animal Genetics* 47, 181-191. doi: 10.1111/age.12392.

Fontanesi L., Scotti E., Gallo M., Nanni Costa L., Dall'Olio S. (2016) Authentication of "mono-breed" pork products: Identification of a coat colour gene marker in Cinta Senese pigs useful to this purpose. *Livestock Science* 184, 71-77. doi: 10.1016/j.livsci.2015.12.007.

Bovo S., Mazzoni G., Galimberti G., Calò D.G., Fanelli F., Mezzullo M., Schiavo G., Manisi A., Trevisi P., Bosi P., Dall'Olio S., Pagotto U., Fontanesi L. (2016) Metabolomics evidences plasma and serum biomarkers differentiating two heavy pig breeds. *Animal* 10, 1741-1748. doi: 10.1017/S1751731116000483. PMID: 27055632.

Fontanesi L., Sparacino G., Utzeri V.J., Scotti E., Fornasini D., Dall'Olio S., Frabetti A. (2016) Identification of polymorphisms in the rabbit growth hormone receptor (GHR) gene and association with finishing weight in a commercial meat rabbit line. *Animal Biotechnology* 27, 77-83. doi: 10.1080/10495398.2015.1101697. PubMed PMID: 26913548.

Ferreira A.M., Marques A.T., Fontanesi L., Thulin C.G., Sales-Baptista E., Araújo S.S., Almeida A.M. (2016) Identification of a Bitter-Taste Receptor Gene Repertoire in Different Lagomorphs Species. *Frontiers in Genetics* 7, 55. doi:10.3389/fgene.2016.00055. PubMed PMID: 27092177; PubMed Central PMCID: PMC4822227.

Fontanesi L., Di Palma F., Flicek P., Smith A.T., Thulin C.G., Alves P.C. Lagomorph Genomics Consortium (2016) LaGomiCs-Lagomorph Genomics Consortium: An International Collaborative Effort for Sequencing the Genomes of an Entire Mammalian Order. *Journal of Heredity* 107, 295-308. doi: 10.1093/jhered/esw010. Epub 2016 Feb 26. PubMed PMID: 26921276; PubMed Central PMCID: PMC4888434.

Samoré A.B., Fontanesi L. (2016) Genomic selection in pigs: State of the art and perspectives. *Italian Journal of Animal Science* 15, 211-232. DOI: 10.1080/1828051X.2016.1172034

Iacolina L., Brajković V., Canu A., Šprem N., Cubric-Curik V., Fontanesi L., Saarma U., Apollonio M., Scandura M. (2016) Novel Y-chromosome short tandem repeats in *Sus scrofa* and their variation in European wild boar and domestic pig populations. *Animal Genetics* 47, 682-690. doi: 10.1111/age.12483. PubMed PMID: 27558303.

Bovo S., Schiavo G., Mazzoni G., Dall'Olio S., Galimberti G., Calò D.G., Scotti E., Bertolini F.,

Buttazzoni L., Samorè A.B., Fontanesi L. (2016) Genome-wide association study for the level of serum electrolytes in Italian Large White pigs. *Animal Genetics* 47, 597-602. doi: 10.1111/age.12459.

Ribani A., Bertolini F., Schiavo G., Scotti E., Utzeri V.J., Dall'Olio S., Trevisi P., Bosi P., Fontanesi L. (2017) Next generation semiconductor based sequencing of bitter taste receptor genes in different pig populations and association analysis using a selective DNA pool-seq approach. *Animal Genetics* 48, 97-102. doi: 10.1111/age.12472. PubMed PMID: 27435880.

Fontanesi L., Schiavo G., Gallo M., Baiocco C., Galimberti G., Bovo S., Russo V., Buttazzoni L. (2017) Genome-wide association study for ham weight loss at first salting in Italian Large White pigs: towards the genetic dissection of a key trait for dry-cured ham production. *Animal Genetics* 48, 103-107. doi: 10.1111/age.12491. PubMed PMID: 27593230.

Motta V., Trevisi P., Bertolini F., Ribani A., Schiavo G., Fontanesi L., Bosi P. (2017) Exploring gastric bacterial community in young pigs. *PLoS One* 12, e0173029. doi: 10.1371/journal.pone.0173029. PubMed PMID: 28249050.

Thulin, C.-G., Alves, P.C., Djan, M., Fontanesi, L., Peacock, D. (2017) Wild opportunities with dedomestication genetics of rabbits. *Restoration Ecology* 25 (3), 330-332. DOI: 10.1111/rec.12510.

Fontanesi L., Schiavo G., Galimberti G., Bovo S., Russo V., Gallo M., Buttazzoni L. (2017) A genome-wide association study for a proxy of intermuscular fat level in the Italian Large White breed identifies genomic regions affecting an important quality parameter for dry-cured hams. *Animal Genetics* 48, 459-465. DOI: 10.1111/age.12542.

Schiavo G., Hoffmann O.I., Ribani A., Utzeri V.J., Ghionda M.C., Bertolini F., Geraci C., Bovo S., Fontanesi L. (2017) A genomic landscape of mitochondrial DNA insertions in the pig nuclear genome provides evolutionary signatures of interspecies admixture. *DNA Research* 24(5), 487-498. doi: 10.1093/dnares/dsx019. PubMed PMID: 28460080.

Bovo S., Mazzoni G., Ribani A., Utzeri V.J., Bertolini F., Schiavo G., Fontanesi L. (2017) A viral metagenomic approach on a non-metagenomic experiment: Mining next generation sequencing datasets from pig DNA identified several porcine parvoviruses for a retrospective evaluation of viral infections. *PLoS One* 12(6):e0179462. doi: 10.1371/journal.pone.0179462. eCollection 2017. PubMed PMID: 28662150; PubMed Central PMCID: PMC5491021.

Ogorevc J., Zorc M., Škrlep M., Bozzi R., Petig M., Fontanesi L., Čandek-Potokar M., Dovc P. (2017). Is KIT Locus Polymorphism rs328592739 Related to White Belt phenotype in Krškopolje Pig?. *Agriculturae Conspectus Scientificus* 82(2), 155-161.

Bertolini F, Galimberti G, Schiavo G, Mastrangelo S, Di Gerlando R, Strillacci MG, Bagnato A, Portolano B, Fontanesi L. (2018) Preselection statistics and Random Forest classification identify population informative single nucleotide polymorphisms in cosmopolitan and autochthonous cattle breeds. *Animal* 12(1), 12-19. doi: 10.1017/S1751731117001355. PubMed PMID: 28643617.

Dall'Olio S, Scotti E, Nanni Costa L, Fontanesi L. (2018) Effects of single nucleotide polymorphisms and haplotypes of the protein kinase AMP-activated non-catalytic subunit gamma 3 (PRKAG3) gene on production, meat quality and carcass traits in Italian Large White pigs. *Meat Science* 136, 44-49. doi: 10.1016/j.meatsci.2017.09.012. PubMed PMID: 29096286.

Ribani A, Schiavo G, Utzeri VJ, Bertolini F, Geraci C, Bovo S, Fontanesi L. Application of next

generation semiconductor based sequencing for species identification in dairy products. *Food Chem.* 2018 Apr 25;246:90-98. doi: 10.1016/j.foodchem.2017.11.006. Epub 2017 Nov 3. PubMed PMID: 29291883.

Strillacci MG, Vega-Murillo VE, Román-Ponce SI, López FJR, Cozzi MC, Gorla E, Cerolini S, Bertolini F, Fontanesi L, Bagnato A. (2018) Looking at genetic structure and selection signatures of the Mexican chicken population using single nucleotide polymorphism markers. *Poultry Science* 97(3), 791-802. doi: 10.3382/ps/pex374. PubMed PMID: 29272469.

Bonneau M, Čandek-Potokar M, Škrlep M, Font-I-Furnols M, Aluwé M; Castrum network, Fontanesi L. (2018) Potential sensitivity of pork production situations aiming at high-quality products to the use of entire male pigs as an alternative to surgical castrates. *Animal* 12(6), 1287-1295. doi: 10.1017/S1751731117003044. PubMed PMID: 29143706.

Utzeri VJ, Ribani A, Schiavo G, Bertolini F, Bovo S, Fontanesi L (2018) Application of next generation semiconductor based sequencing to detect the botanical composition of monofloral, polyfloral and honeydew honey. *Food Control* 86:342–349.

Schiavo G, Strillacci MG, Ribani A, Bovo S, Roman-Ponce SI, Cerolini S, Bertolini F, Bagnato A, Fontanesi L. (2018) Few mitochondrial DNA sequences are inserted into the turkey (*Meleagris gallopavo*) nuclear genome: evolutionary analyses and informativity in the domestic lineage. *Animal Genetics* 49(3), 259-264. doi: 10.1111/age.12648. PubMed PMID: 29521475.

Schiavo G, Bertolini F, Utzeri VJ, Ribani A, Geraci C, Santoro L, Óvilo C, Fernández AI, Gallo M, Fontanesi L. (2018) Taking advantage from phenotype variability in a local animal genetic resource: identification of genomic regions associated with the hairless phenotype in Casertana pigs. *Animal Genetics* 49(4), 321-325. doi: 10.1111/age.12665. PubMed PMID: 29672877.

Bertolini F, Schiavo G, Galimberti G, Bovo S, D'Andrea M, Gallo M, Buttazzoni L, Rothschild MF, Fontanesi L. (2018) Genome-wide association studies for seven production traits highlight genomic regions useful to dissect dry-cured ham quality and production traits in Duroc heavy pigs. *Animal* 12, 1777-1784. doi: 10.1017/S1751731118000757. PubMed PMID: 29706143.

Mastrangelo S, Ciani E, Ajmone Marsan P, Bagnato A, Battagliani L, Bozzi R, Carta A, Catillo G, Cassandro M, Casu S, Ciampolini R, Crepaldi P, D'Andrea M, Di Gerlando R, Fontanesi L, Longeri M, Macciotta NP, Mantovani R, Marletta D, Matassino D, Mele M, Pagnacco G, Pieramati C, Portolano B, Sarti FM, Tolone M, Pilla F. (2018) Conservation status and historical relatedness of Italian cattle breeds. *Genetics Selection Evolution* 50, 35. doi: 10.1186/s12711-018-0406-x. PubMed PMID: 29940848; PubMed Central PMCID: PMC6019226.

Utzeri VJ, Schiavo G, Ribani A, Tinarelli S, Bertolini F, Bovo S, Fontanesi L. (2018) Entomological signatures in honey: an environmental DNA metabarcoding approach can disclose information on plant-sucking insects in agricultural and forest landscapes. *Scientific Reports* 8, 9996. doi: 10.1038/s41598-018-27933-w. PubMed PMID: 29968727; PubMed Central PMCID: PMC6030050.

Ribani, A., Schiavo, G., Utzeri, V. J., Bertolini, F., Geraci, C., Bovo, S., & Fontanesi, L. (2018). Application of next generation semiconductor based sequencing for species identification and analysis of within-species mitotypes useful for authentication of meat derived products. *Food Control*, 91, 58-67.

Utzeri, V. J., Ribani, A., & Fontanesi, L. (2018). Authentication of honey based on a DNA method to differentiate *Apis mellifera* subspecies: Application to Sicilian honey bee (*A. m. siciliana*) and Iberian honey bee (*A. m. iberiensis*) honeys. *Food Control*, 91, 294-301.

Dall'Olio, S., Ribani, A., Moscatelli, G., Zambonelli, P., Gallo, M., Costa, L. N., Fontanesi, L. (2018). Teat number parameters in Italian Large White pigs: Phenotypic analysis and association with vertrnin (VRTN) gene allele variants. *Livestock Science*, 210, 68-72.

Bovo, S., Luca, A.D., Galimberti, G., Dall'Olio, S., Fontanesi, L. (2018) A comparative analysis of label-free liquid chromatography-mass spectrometry liver proteomic profiles highlights metabolic differences between pig breeds. *PLoS ONE* 13, e0199649. Doi 10.1371/journal.pone.0199649.

Fontana, P., Costa, C., Di Prisco, G., Ruzzier, E., Annoscia, D., Battisti, A., Caoduro, G., Carpana, E., Contessi, A., Dal Lago, A., Dall'olio, R., de Cristofaro, A., Felicioli, A., Floris, I., Fontanesi, L., Gardi, T., Lodesani, M., Malagnini, V., Manias, L., Manino, A., Marzi, G., Massa, B., Mutinelli, F., Nazzi, F., Pennacchio, F., Porporato, M., Stoppa, G., Tormen, N., Valentini, M., Segrè, A. (2018) Appeal for biodiversity protection of native honey bee subspecies of apis mellifera in Italy (San Michele all'Adige declaration. *Bulletin of Insectology* 71, 257-271.

Demars, J., Iannuccelli, N., Utzeri, V.J., Auvinet, G., Riquet, J., Fontanesi, L., Allain, D. (2018) New insights into the melanophilin (MLPH) gene affecting coat color dilution in rabbits. *Genes* 9, 430. Doi 10.3390/genes9090430

Bertolini, F., Schiavo, G., Tinarelli, S., Santoro, L., Utzeri, V.J., Dall'Olio, S., Nanni Costa, L., Gallo, M., Fontanesi, L. (2018) Exploiting phenotype diversity in a local animal genetic resource: Identification of a single nucleotide polymorphism associated with the tail shape phenotype in the autochthonous Casertana pig breed. *Livestock Science* 216, 148-152. Doi 10.1016/j.livsci.2018.08.007

Mastrangelo, S., Sardina, M.T., Tolone, M., Di Gerlando, R., Sutura, A.M., Fontanesi, L., Portolano, B. (2018) Genome-wide identification of runs of homozygosity islands and associated genes in local dairy cattle breeds. *Animal* 12, 2480-2488. Doi 10.1017/S1751731118000629

Bovo, S., Ribani, A., Utzeri, V.J., Schiavo, G., Bertolini, F., Fontanesi, L. (2018) Shotgun metagenomics of honey DNA: Evaluation of a methodological approach to describe a multi-kingdom honey bee derived environmental DNA signature. *PLoS ONE* 13, e0205575. Doi 10.1371/journal.pone.0205575

Muñoz, M., Bozzi, R., García, F., Núñez, Y., Geraci, C., Crovetto, A., García-Casco, J., Alves, E., Škrlep, M., Charneca, R., Martins, J.M., Quintanilla, R., Tibau, J., Kušec, G., Djurkin-Kušec, I., Mercat, M.J., Riquet, J., Estellé, J., Zimmer, C., Razmaite, V., Araujo, J.P., Radović, Č., Savić, R., Karolyi, D., Gallo, M., Čandek-Potokar, M., Fontanesi, L., Fernández, A.I., Óvilo, C. (2018) Diversity across major and candidate genes in European local pig breeds. *PLoS ONE* 13, e0207475. Doi 10.1371/journal.pone.0207475

Utzeri, V.J., Schiavo, G., Ribani, A., Bertolini, F., Bovo, S., Fontanesi, L. (2019) A next generation sequencing approach for targeted *Varroa destructor* (Acari: Varroidae) mitochondrial DNA analysis based on honey derived environmental DNA. *Journal of Invertebrate Pathology* 161, 47-53. Doi 10.1016/j.jip.2019.01.005

Geraci, C., Varzandi, A.R., Schiavo, G., Bovo, S., Ribani, A., Utzeri, V.J., Galimberti, G., Buttazzoni, L., Ovilo, C., Gallo, M., Dall'Olio, S., Fontanesi, L. (2019) Genetic markers associated with resistance to infectious diseases have no effects on production traits and haematological parameters in Italian Large White pigs. *Livestock Science* 223, 32-38. Doi 10.1016/j.livsci.2019.03.003

Ribani, A., Utzeri, V.J., Geraci, C., Tinarelli, S., Djan, M., Veličković, N., Doneva, R., Dall'Olio,

S., Nanni Costa, L., Schiavo, G., Bovo, S., Usai, G., Gallo, M., Radović, Č., Savić, R., Karolyi, D., Salajpal, K., Gvozdanović, K., Djurkin-Kušec, I., Škrlep, M., Čandek-Potokar, M., Ovilo, C., Fontanesi, L. (2019) Signatures of de-domestication in autochthonous pig breeds and of domestication in wild boar populations from MC1R and NR6A1 allele distribution. *Animal Genetics* 50, 166-171. Doi 10.1111/age.12771

Bovo, S., Mazzoni, G., Bertolini, F., Schiavo, G., Galimberti, G., Gallo, M., Dall'Olio, S., Fontanesi, L. (2019) Genome-wide association studies for 30 haematological and blood clinical-biochemical traits in Large White pigs reveal genomic regions affecting intermediate phenotypes. *Scientific Reports* 9, 7003. doi 10.1038/s41598-019-43297-1

Muñoz, M., Bozzi, R., García-Casco, J., Núñez, Y., Ribani, A., Franci, O., García, F., Škrlep, M., Schiavo, G., Bovo, S., Utzeri, V.J., Charneca, R., Martins, J.M., Quintanilla, R., Tibau, J., Margeta, V., Djurkin-Kušec, I., Mercat, M.J., Riquet, J., Estellé, J., Zimmer, C., Razmaite, V., Araujo, J.P., Radović, Č., Savić, R., Karolyi, D., Gallo, M., Čandek-Potokar, M., Fernández, A.I., Fontanesi, L., Óvilo, C. (2019) Genomic diversity, linkage disequilibrium and selection signatures in European local pig breeds assessed with a high density SNP chip. *Scientific Reports* 9, 13546, doi 10.1038/s41598-019-49830-6.

Grilz-Seger, G., Utzeri, V.J., Ribani, A., Taurisano, V., Fontanesi, L., Brem, G. (2020) Known loci in the KIT and TYR genes do not explain the depigmented white coat colour of Austro-Hungarian Baroque donkey. *Italian Journal of Animal Science* 19, 739-743. DOI: 10.1080/1828051X.2020.1790997

Bovo, S., Utzeri, V. J., Ribani, A., Cabbri, R., & Fontanesi, L. (2020). Shotgun sequencing of honey DNA can describe honey bee derived environmental signatures and the honey bee hologenome complexity. *Scientific Reports*, 10, 9279 (pages: 1-17). Doi: 10.1038/s41598-020-66127-1

Schiavo, G., Bovo, S., Bertolini, F., Dall'Olio, S., Nanni Costa, L., Tinarelli, S., Gallo, M., Fontanesi, L. (2020) Runs of homozygosity islands in Italian cosmopolitan and autochthonous pig breeds identify selection signatures in the porcine genome. *Livestock Science* 240, 104219. Doi: 10.1016/j.livsci.2020.104219.

Ribani, A., Utzeri, V.J., Taurisano, V., Fontanesi, L. (2020) Honey as a source of environmental DNA for the detection and monitoring of honey bee pathogens and parasites. *Veterinary Sciences* 7(3), 113. doi: 10.3390/VETSCI7030113

Bovo, S., Ballan, M., Schiavo, G., Gallo, M., Dall'Olio, S., Fontanesi, L. (2020) Haplotype-based genome-wide association studies reveal new loci for haematological and clinical-biochemical parameters in Large White pigs. *Animal Genetics* 51, 601-606. doi:10.1111/age.12959.

Moscatelli, G., Dall'Olio, S., Bovo, S., Schiavo, G., Kazemi, H., Ribani, A., Zambonelli, P., Tinarelli, S., Gallo, M., Bertolini, F., Fontanesi, L. (2020) Genome-wide association studies for the number of teats and teat asymmetry patterns in Large White pigs. *Animal Genetics* 51, 595-600. Doi: 10.1111/age.12947

Dall'Olio, S., Schiavo, G., Gallo, M., Bovo, S., Bertolini, F., Buttazzoni, L., Fontanesi, L. (2020) Candidate gene markers associated with production, carcass and meat quality traits in Italian Large White pigs identified using a selective genotyping approach. *Livestock Science* 240, 104145. 10.1016/j.livsci.2020.104145

Sosa-Madrid B. S., Hernandez P., Blasco A., Haley C. S., Fontanesi, L., Santacreu M. A., Pena R. N., Navarro P., Ibanez-Escriche N. (2020) Genomic regions influencing intramuscular fat in

divergently selected rabbit lines. *Animal Genetics* 51, 58-69. doi: 10.1111/age.12873

Schiavo G., Bovo S., Ribani A., Kazemi H., [Fontanesi L.](#) (2020) A comparative genome landscape of mitochondrial DNA insertions into two cattle nuclear genome versions. *Animal Genetics* 51, 149-151. DOI:10.1111/age.12889.

Sosa-Madrid B.S.; Santacreu M.A.; Blasco A.; [Fontanesi L.](#); Pena R.N.; Ibanez-Escriche N. (2020) A genomewide association study in divergently selected lines in rabbits reveals novel genomic regions associated with litter size traits. *Journal of Animal Breeding and Genetics* 137, 123-138. DOI:10.1111/jbg.12451.

Schiavo G., Bertolini F., Galimberti G., Bovo S., Dall'olio S., Nanni Costa L., Gallo M., [Fontanesi L.](#) (2020) A machine learning approach for the identification of population-informative markers from high-throughput genotyping data: Application to several pig breeds. *Animal* 14, 223-232. DOI:10.1017/S1751731119002167

Schiavo, G., Bovo, S., Tinarelli, S., Gallo, M., Dall'Olio, S., & [Fontanesi, L.](#) (2020). Genome-wide association analyses for coat colour patterns in the autochthonous Nero Siciliano pig breed. *Livestock Science*, 236, 104015. DOI:10.1016/j.livsci.2020.104015

Schiavo, G., Bovo, S., Tinarelli, S., Kazemi, H., Gallo, M., Dall'Olio, S., & [Fontanesi, L.](#) (2020). Comparative population genomic analyses of the reconstructed local breed "Nero di Parma" with other commercial and autochthonous Italian pig breeds. *Livestock Science*, 235, 104014. DOI:10.1016/j.livsci.2020.104014.

Bertolini, F., Schiavo, G., Bovo, S., Sardina, M. T., Mastrangelo, S., Dall'Olio, S., Portolano, B., [Fontanesi, L.](#) (2020). Comparative selection signature analyses identify genomic footprints in Reggiana cattle, the traditional breed of the Parmigiano-Reggiano cheese production system. *Animal* 14(5), 921-932. Doi: 10.1017/S1751731119003318.

Schiavo, G., Bovo, S., Bertolini, F., Tinarelli, S., Dall'Olio, S., Nanni Costa, L., Gallo, M., [Fontanesi, L.](#) (2020). Comparative evaluation of genomic inbreeding parameters in seven commercial and autochthonous pig breeds. *Animal* 14, 910-920. Doi: 10.1017/S175173111900332X.

Dall'Olio, S., Aboagye, G., Costa, L. N., Gallo, M., [Fontanesi, L.](#) (2020). Effects of 17 performance, carcass and raw ham quality parameters on ham weight loss at first salting in heavy pigs, a meat quality indicator for the production of high quality dry-cured hams. *Meat science*, 162, 108012. 10.1016/j.meatsci.2019.108012.

Luise D., Bovo S., Bosi P., Fanelli F., Pagotto U., Galimberti G., Mazzoni G., Dall'Olio S., [Fontanesi L.](#) (2020) Targeted metabolomic profiles of piglet plasma reveal physiological changes over the suckling period. *Livestock Science* 231, 103890. doi: 10.1016/j.livsci.2019.103890

Bovo S, Ribani A, Muñoz M, Alves E, Araujo JP, Bozzi R, Čandek-Potokar M, Charneca R, Di Palma F, Etherington G, Fernandez AI, García F, García-Casco J, Karolyi D, Gallo M, Margeta V, Martins JM, Mercat MJ, Moscatelli G, Núñez Y, Quintanilla R, Radović Č, Razmaite V, Riquet J, Savić R, Schiavo G, Usai G, Utzeri VJ, Zimmer C, Ovilo C, [Fontanesi L.](#) (2020) Whole-genome sequencing of European autochthonous and commercial pig breeds allows the detection of signatures of selection for adaptation of genetic resources to different breeding and production systems. *Genetics Selection Evolution* 52, 33 (p. 1-19). doi: 10.1186/s12711-020-00553-7. PMID: 32591011; PMCID: PMC7318759.

Bovo S, Ribani A, Muñoz M, Alves E, Araujo JP, Bozzi R, Charneca R, Di Palma F, Etherington

G, Fernandez AI, García F, García-Casco J, Karolyi D, Gallo M, Gvozdanović K, Martins JM, Mercat MJ, Núñez Y, Quintanilla R, Radović Č, Razmaite V, Riquet J, Savić R, Schiavo G, Škrlep M, Usai G, Utzeri VJ, Zimmer C, Ovilo C, Fontanesi L. Genome-wide detection of copy number variants in European autochthonous and commercial pig breeds by whole-genome sequencing of DNA pools identified breed-characterising copy number states. *Anim Genet.* 2020 Aug;51(4):541-556. doi: 10.1111/age.12954. Epub 2020 Jun 8. PMID: 32510676.

Moscatelli G, Bovo S, Schiavo G, Mazzoni G, Bertolini F, Dall'Olio S, Fontanesi L. Genome-wide association studies for iris pigmentation and heterochromia patterns in Large White pigs. *Anim Genet.* 2020 Jun;51(3):409-419. doi: 10.1111/age.12930. Epub 2020 Mar 31. PMID: 32232994.

Utzeri VJ, Ribani A, Bovo S, Taurisano V, Calassanzio M, Baldo D, Fontanesi L. Microscopic ossicle analyses and the complete mitochondrial genome sequence of *Holothuria* (*Roweothuria*) *polii* (Echinodermata; Holothuroidea) provide new information to support the phylogenetic positioning of this sea cucumber species. *Mar Genomics.* 2020 Jun;51:100735. doi: 10.1016/j.margen.2019.100735. Epub 2019 Dec 19. PMID: 31866382.

Bertolini F, Ribani A, Capoccioni F, Buttazzoni L, Utzeri VJ, Bovo S, Schiavo G, Caggiano M, Fontanesi L, Rothschild MF. Identification of a major locus determining a pigmentation defect in cultivated gilthead seabream (*Sparus aurata*). *Anim Genet.* 2020 Mar;51(2):319-323. doi: 10.1111/age.12890. Epub 2020 Jan 3. PMID: 31900984.

Tinarelli S, Ribani A, Utzeri VJ, Taurisano V, Bovo C, Dall'Olio S, Nen F, Bovo S, Schiavo G, Gallo M, Fontanesi L. Redefinition of the Mora Romagnola Pig Breed Herd Book Standard Based on DNA Markers Useful to Authenticate Its "Mono-Breed" Products: An Example of Sustainable Conservation of a Livestock Genetic Resource. *Animals (Basel).* 2021 Feb 18;11(2):526. doi: 10.3390/ani11020526. PMID: 33670521; PMCID: PMC7923016.

Bertolini F, Ribani A, Capoccioni F, Buttazzoni L, Utzeri VJ, Bovo S, Schiavo G, Caggiano M, Rothschild MF, Fontanesi L. A comparative whole genome sequencing analysis identified a candidate locus for lack of operculum in cultivated gilthead seabream (*Sparus aurata*). *Anim Genet.* 2021 Jun;52(3):365-370. doi: 10.1111/age.13049. Epub 2021 Feb 20. PMID: 33609290.

Bovo S, Schiavo G, Ribani A, Utzeri VJ, Taurisano V, Ballan M, Muñoz M, Alves E, Araujo JP, Bozzi R, Charneca R, Di Palma F, Djurkin Kušec I, Etherington G, Fernandez AI, García F, García-Casco J, Karolyi D, Gallo M, Martins JM, Mercat MJ, Núñez Y, Quintanilla R, Radović Č, Razmaite V, Riquet J, Savić R, Škrlep M, Usai G, Zimmer C, Ovilo C, Fontanesi L. Describing variability in pig genes involved in coronavirus infections for a One Health perspective in conservation of animal genetic resources. *Sci Rep.* 2021 Feb 9;11(1):3359. doi: 10.1038/s41598-021-82956-0. PMID: 33564056; PMCID: PMC7873263.

Schiavo G, Bovo S, Muñoz M, Ribani A, Alves E, Araújo JP, Bozzi R, Čandek-Potokar M, Charneca R, Fernandez AI, Gallo M, García F, Karolyi D, Kušec G, Martins JM, Mercat MJ, Núñez Y, Quintanilla R, Radović Č, Razmaite V, Riquet J, Savić R, Usai G, Utzeri VJ, Zimmer C, Ovilo C, Fontanesi L. Runs of homozygosity provide a genome landscape picture of inbreeding and genetic history of European autochthonous and commercial pig breeds. *Anim Genet.* 2021 Apr;52(2):155-170. doi: 10.1111/age.13045. Epub 2021 Feb 5. PMID: 33544919.

Bovo S, Schiavo G, Utzeri VJ, Ribani A, Schiavitto M, Buttazzoni L, Negrini R, Fontanesi L. A genome-wide association study for the number of teats in European rabbits (*Oryctolagus cuniculus*) identifies several candidate genes affecting this trait. *Anim Genet.* 2021 Apr;52(2):237-243. doi: 10.1111/age.13036. Epub 2021 Jan 11. PMID: 33428230.

Dall'Olio, S., Bovo, S., Tinarelli, S., Schiavo, G., Padalino, B., & Fontanesi, L. (2021).

Association between candidate gene markers and harness racing traits in Italian trotter horses. *Livestock Science*, 244, 104351.

**PUBBLICAZIONI DI LIBRI E CAPITOLI
DI LIBRI**

Fontanesi L. (Editor) *The Genetics and Genomics of the Rabbit* – CAB International – 2021. ISBN 9781780643342 – doi: 10.1079/9781780643342.0000

Fontanesi L. (2016). Merging Metabolomics, Genetics, and Genomics in Livestock to Dissect Complex Production Traits. In Haja N. Kadarmideen (Editor) "Systems Biology in Animal Production and Health, Vol. 1." Springer International Publishing, 6330 Cham, Switzerland. ISBN 978-3-319-43333-2 ISBN 978-3-319-43335-6 (eBook), DOI 10.1007/978-3-319-43335-6. pp 43-62.

Fontanesi L. (2017). Chapter 19: Meat Authenticity and Traceability. In *Lawrie's Meat Science*. 8th Edition. Editor: Toldrá F. – Woodhead Publishing, Elsevier, Oxford, UK. pp. 585-633. doi:10.1016/B978-0-08-100694-8.00019-4

**PRESENTAZIONI AD INVITO A
CONVEGNI/WORKSHOP/SEMINARI
NAZIONALI O INTERNAZIONALI E
MANIFESTAZIONI/EVENTI
DIVULGATIVI**

Convegno Internazionale: Invited presentation al 69th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science (EAAP), Dubrovnik, 27-31 Agosto 2018: Titolo: "Exploiting genomic data of autochthonous pig breeds: conservation genetics comes of age".

Seminario: Invito per un seminario nell'ambito della serie di seminari organizzati dal Department of Animal Science dell'Iowa State University (FALL, 2017 Animal Breeding and Genetics Seminar - 9-10 Ottobre 2017; Ames, Iowa, USA): Titolo: Shaping, Reshaping and Deconstructing a Meat Machine: Unraveling a Story on Pig Genomics and Phenomics.

Convegno Internazionale: Presentazione di una main lecture ad invito alla 7th International Conference on Rabbit Biotechnology (Isawa, Japan, 25-26 Agosto 2017). Titolo: Shaping the rabbit genome: a landscape of relicts of natural and human driven evolution.

Convegno Brasiliano: Presentazione di una lecture ad invito alla 54th Annual Meeting of the Brazilian Society of Animal Science Organizzato da SBZ (Foz do Iguaçu, Brasile, 26-28 Luglio 2017). Titolo: Metabolomics and genomics in livestock: taking advantages from the next phenotyping frontiers in animal breeding and selection.

Convegno Internazionale: Presentazione di una main lecture ad invito al 11th World Rabbit Congress, Qingdao, Cina, 15-18 Giugno 2016. Titolo: The rabbit in the genomics era: applications and perspectives in rabbit biology and breeding.

Convegno Spagnolo: Presentazione di una main lecture ad invito al XVIII Réunion Nacional Sobre Mejora Genética Animal. Valencia, Spagna, 2-3 Giugno 2016. Titolo: The rabbit in the genomics era: applications and perspectives in rabbit biology and breeding.

Convegno internazionale: presentazione di una relazione ad invito al Plant and Animal Genome Congress 2015 (PAG2015), San Diego California, 10-14 January 2015. " Genomics meets metabolomics: developing a systems biology approach to understand the genetic mechanisms affecting complex traits in pigs".

Workshop internazionale in evento nazionale: relazione ad invito al Primo Forum sulla Genetica Suina Europea: Nuovi obiettivi e metodi innovativi di selezione, Paesi leader a confronto.

ITALPIG, Rassegna Suinicola di Cremona, 25 Ottobre 2013 (Titolo: La selezione per la suinicoltura italiana).

Convegno internazionale: presentazione di una keynote lecture al 8th International symposium on the Mediterranean pig, Ljubljana (Slovenia), 10-12 Ottobre 2013 (Titolo: Molecular genetics of coat colour in pigs).

Convegno internazionale: presentazione di una main lecture al 5th International Meeting on Rabbit Biotechnology, Shanghai (Cina), Giugno 6-8, 2013 (Titolo: Genomics of coat colour in the rabbit: modelling and animal model for pigmentation related diseases in human).

Evento nazionale: presentazione di una relazione alla 52a RASSEGNA SUINICOLA INTERNAZIONALE, Reggio Emilia 19 Aprile 2013, nell'ambito del convegno "Progetto di ricerca AGER Hepiget : Ricerca avanzata in genomica e innovazioni tecnologiche per la filiera produttiva del suino pesante italiano: primi risultati" (Titolo: Le tecnologie di analisi del DNA per il miglioramento genetico dei suini e prospettive della selezione genomica nella suinicoltura italiana).

Convegno nazionale: presentazione di una Main lecture al 18mo Congresso ASPA, Palermo, 9-12 Giugno, 2009 (Titolo: Main lecture - Genetic authentication and traceability of food products of animal origin: new developments and perspectives).

Professoeur invitè (Invited Professor, Professore ad invito) presso la Faculté des Sciences et Techniques de Université de Limoges, Limoges, Francia (20 Giugno-12 Luglio 2008), serie di seminari.

Workshop internazionale: The Animal Genetics Workshop, Università di Palermo, GoMilkSicily project, 25-01-2008, Palermo (Titolo: Molecular genetics of coat color in livestock: insights into comparative biology and applications for animal products traceability).

Evento nazionale: Relazione ad invito all'ottavo Matching innovazione tecnologica, ICOMO la Fabbrica delle Idee, Centro Volta, Villa Olmo, Como, 28 Settembre 2006 (Titolo: Tracciante alimentare naturale).

Workshop internazionale: Relazione ad invito al "Animal Genetics Workshop -A 'Go Milk Sicily' Workshop - Transfer of Knowledge-Development . Marie Curie Actions Animal Genetics Workshop -A 'Go Milk Sicily' Workshop -Transfer of Knowledge-Development. Università di Palermo - Department S.En.Fi.Mi.Zo. 21 Aprile 2006 (Titolo: The genome scan for QTL affecting milk production by means of selective milk DNA pooling).

Convegno nazionale: Presentazione di una main lecture al XLIX SIGA Annual Congress, Potenza, 12-15 Settembre 2005 (Titolo: Genetic strategies to improve and control the quality of animal products).

Convegno nazionale: Relazione al "Convegno su Biodiversità e Riproduzione Animale", Bari 6-8 Dicembre 2001, Hotelclub il Baricentro, Casamassima (BA) (Titolo: Importanza della biodiversità per le produzioni zootecniche).

Convegno internazionale: "Regional Workshop on Biotechnology Applied to Agriculture" Belgrado, Vincia Institute, 5-6 Giugno 1998 (Titolo: Molecular genetics and animal production improvement).

PREMI

2007: Menzione speciale all'edizione 2007 del Premio Montana alla Ricerca Alimentare con la ricerca dal titolo "Un nuovo sistema per la tracciabilità e l'autenticazione dei prodotti agro-alimentari". Ricerca effettuata in collaborazione con il Dott. Marco Pancaldi di Biolab spa.

2008: Vincitore dell'edizione 2008 del Premio Montana alla Ricerca Alimentare con la ricerca dal titolo "Identificazione di biomarcatori per la valutazione della qualità della carne: un approccio innovativo basato sullo studio dell'espressione genica post mortem". Ricerca effettuata in cooperazione con la Dott.ssa Daniela Giovanna Calo' del Dipartimento di Scienze Statistiche Paolo Fortunati dell'Università di Bologna.

BREVETTI

INVENTORI: Pancaldi M., Fontanesi L., Salvi A., Russo V., Davoli R., Carboni E. TITOLO: Tracciante alimentare naturale (RM2005 A000235).

INVENTORI: Fontanesi L., Dall'Olio S., Scotti E. TITOLO: Marcatore del DNA per l'identificazione dei suini di razza Cinta Senese e relativi metodi e kit di identificazione. Domanda numero: 102015000011082 – 08/05/2015 – Rilascio numero: 102015000011082 – 10/11/2017.

ALTRE ATTIVITÀ

Dal 2007 al 2019 è stato Section Editor della rivista Italian Journal of Animal Science (<http://www.aspajournal.it>), (<http://www.tandfonline.com/loi/tjas20>); dal 2010 è Reviewer Editor di Frontiers in Livestock Genomics (http://www.frontiersin.org/livestock_genomics/about); dal 2012 al 2014 è stato componente dell'Editorial Board della rivista Agriculturae Conspectus Scientificus (<http://acs.agr.hr/>); dal 2014 al 2016 è stato Associate editor della rivista Gene (<http://www.journals.elsevier.com/gene/>); dal 2016 è Section Editor di Livestock Science per la Sezione "Genetics, Animal Genetic Resources and Breeding" (<http://www.journals.elsevier.com/livestock-science/>); dal 2019 è componente dell'Editorial Board di Scientific Reports (<http://www.nature.com/srep/>)

Ha svolto attività di peer reviewing per le riviste: African Journal of Biotechnology, Animal, Animal Biotechnology, Animal Genetics, Animals, Aquaculture Research, Biochemical Genetics, Biologia Serbica, BMC Genetics, BMC Genomics, BMC Evolutionary Biology, BMC Research Notes, CAB Reviews, Canadian Journal of Animal Science, Chinese Journal of Oceanology and Limnology, Comparative Biochemistry and Physiology, Czech Journal of Animal Science, DNA and Cell Biology, Ecology and Evolution, Electronic Journal of Biotechnology, European Journal of Nutrition, Fisheries Research, Food Control, Frontiers in Genetics, Gene, Genes & Genomics, Genetics Selection Evolution, Genome, Heredity, Italian Journal of Animal Science, Journal of Animal Breeding and Genetics, Journal of Animal Science, Journal of Animal Science and Technology, Journal of Applied Genetics, Journal of Dairy Research, Journal of Dairy Science, Journal of Dental Research, Journal of Genetics, Journal of Genomics, Journal of Heredity, Journal of Investigative Dermatology, Journal of Pest Science, Journal of Proteomics, Livestock Science, Mammalian Genome, Marine Genomics, Meat Science, Molecular Biology Reports, Molecular Genetics and Genomics, Molecular Immunology, Nucleic Acids Research, PLoS Genetics, PLoS ONE, Research in Veterinary Science, Scientific Reports, Small Ruminant Research, Theriogenology, The Scientific World Journal, World Rabbit Science.

Ha svolto attività di revisione di progetti per le seguenti agenzie/organizzazioni: PRIN (Italian Miur), Università degli Studi di Milano, Università degli Studi di Padova, Finpiemonte, FP7 European Union, RIA projects in H2020 European Union, ERC H2020 European Union, Agence Nationale de la Recherche (ANR; France), OKTA (Hungarian Scientific Research Fund Organization), National Science Centre (Poland), Croatian Science Foundation (Croatia), BBSRC (UK), BARD (US-Israel Agricultural Research & Development Fund), ARRS Slovenian Research Agency (Slovenia), EUROPEAN SCIENCE FOUNDATION, Swiss National Science Foundation, Alberta Livestock and Meat Agency, . Ha svolto attività di valutazione delle strutture di ricerca per conto del Secretariat of State for Research, Development and Innovation Spanish Ministry of Economy and Competitiveness (Spagna), Valutatore di prodotti di ricerca per conto di

ANVUR.

È socio dal 2000 dell'International Society for Animal Genetics (ISAG), dal 2002 dell'Associazione Scientifica di Produzione Animale (ASPA), dal 2013 della World Lagomorph Society (WLS).

È stato cofondatore del Centre for Genome Biology dell'Università di Bologna e membro del comitato di indirizzo dell'IRT "ALMA Sequencing".

È stato componente della Commissione Ricerca del Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agroalimentari (Università di Bologna) - (2014-2018).

È stato componente del Collegio Docenti del Dottorato in Scienze e Tecnologie Agrarie, Ambientali e Alimentari (2014-2019).

Dal 2016 è referente per l'Università di Bologna della piattaforma tecnologica FABRE-TP (Sustainable Farm Animal Breeding and Reproduction Technology Platform).

Dal 2017 è componente del Gruppo Tematico di Ateneo (GTA) Agro-Food dell'Università di Bologna.

Dal 2018 è Delegato alla ricerca per il Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agroalimentari dell'Università di Bologna.

Il sottoscritto è a conoscenza che, ai sensi dell'art. 76 del DPR 445/2000, le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali. Inoltre, il sottoscritto autorizza al trattamento dei dati personali, secondo quanto previsto dalla Legge 196/03.

Bologna, 23.06.2021

Prof. Luca Fontanesi

